

Guide d'utilisation de DAM



Sommaire

I. DECLARATION DES ANOMALIES ET MALFORMATIONS (DAM), OBJECTIFS	3
II. COMMENT Y ACCEDER	4
III. CREER UNE FICHE	5
A. CREER UNE FICHE MALFORMATION	5
B. CODER UN SYNDROME OU UNE MALFORMATION.....	7
C. CODER UNE ETIOLOGIE.....	7
IV. RECHERCHER UNE FICHE MALFORMATION	8
V. MODIFIER UNE FICHE MALFORMATION	9
VI. EXTRAIRE OU IMPRIMER LES FICHES MALFORMATION	9

I. Déclaration des Anomalies et Malformations (DAM), Objectifs

DAM (Déclaration des Anomalies et Malformations) est une application informatique d'aide à la saisie des anomalies et des malformations congénitales des enfants issus de l'assistance médicale à la procréation (AMP), accessible sur le portail de l'Agence via un accès internet sécurisé

Le suivi des enfants issus d'AMP est une mission de l'Agence et à cet effet il est prévu d'enregistrer l'état des enfants issus de FIV dans le registre national des FIV. L'objectif de cette application informatique est de faciliter la saisie des anomalies congénitales diagnostiquées par la mise à disposition d'un thésaurus permettant de sélectionner rapidement et simplement l'intitulé des anomalies selon une classification unique et commune pour tous les utilisateurs (classification de la CIM10¹).

L'utilisation de cette application annule et remplace le formulaire de déclaration des anomalies congénitales du rapport annuel d'activité. La définition des cas et les items sont identiques, à l'exception des étiologies qui ont été remplacées par la classification d'Eurocat² :

Fiche à remplir :

- Pour toutes les ANOMALIES GENETIQUES (identifiées ou fortement suspectées)
- Pour toutes les MALFORMATIONS décelées chez les fœtus ou les enfants : inclure les malformations majeures et les malformations isolées nécessitant une prise en charge médicale ou chirurgicale dans la première année ou les syndromes associant plusieurs malformations même mineures.
- Pour les malformations et anomalies génétiques DIAGNOSTIQUEES à l'issue de la grossesse (IMG, FCS, naissance...)
- quelle que soit la technique d'AMP (insémination, FIV, TEC....) et l'origine des gamètes

L'objectif est de suivre la fréquence et les caractéristiques des anomalies diagnostiquées et d'identifier les facteurs de risque d'anomalies par la mise en relation avec les caractéristiques de la tentative pour les FIV.

¹ La CIM-10 est la Classification statistique Internationale des Maladies et des problèmes de santé connexes de l'Organisation Mondiale de la Santé (OMS). Elle permet le codage des maladies, des syndromes, des symptômes et de tous les motifs de recours aux soins, quels que soient la structure et le mode de leur délivrance. La CIM-10 est composée de 21 chapitres. Le chapitre XVII traite des Malformations congénitales et anomalies chromosomiques. Il comporte 100 blocs numérotés de Q00 à Q99

² Eurocat (European Concerted Action on Congenital Anomalies and Twins) est un registre européen pour la surveillance épidémiologique des malformations congénitales, coordonnant un réseau de 43 registres dans 23 pays européens.

II. Comment y accéder

Dans un navigateur web, saisir l'adresse <https://www.sipg.sante.fr> pour accéder au portail de l'Agence de la biomédecine

Saisir votre identifiant et votre mot de passe dans les zones prévues à cet effet puis cliquer sur OK.



Le portail propose plusieurs applications : Cliquer sur DAM



Trucs, astuces, conseils

- *Le système impose le changement de votre mot de passe tous les 3 mois.*
- *Pour des raisons de sécurité, au bout de 5 erreurs consécutives dans la saisie de votre mot de passe, votre compte sera bloqué. Pour le débloquer, il vous suffit d'appeler le support technique.*
- **En cas d'oubli de votre mot de passe** cliquer sur le lien « vous avez oublié votre mot de passe ? » sur l'écran d'accueil du portail et renseigner le formulaire présenté. Votre mot de passe vous sera renvoyé par courrier. Sinon, vous pouvez également contacter le support technique.
- *Pour toute question d'ordre médical : pqd@biomedecine.fr*

Support Technique

- par mail : assistance-dam@biomedecine.fr
- par téléphone : (du lundi au vendredi aux heures ouvrées)

 **01 55 93 64 00**

III. Créer une fiche

Par défaut, vous arrivez directement sur cet écran « création et recherche » dans lequel vous pouvez soit déclarer une nouvelle anomalie en créant une nouvelle fiche soit consulter une anomalie déjà saisie en recherchant une fiche.

A. Créer une fiche malformation

Pour créer une fiche syndrome / malformation cliquez sur

Création d'une fiche.

→ Avant de créer une nouvelle fiche vérifier que celle-ci n'existe pas déjà dans la base de données en utilisant la fonction « rechercher ». Cela évite de créer des doublons.

Vous arrivez sur l'écran suivant, composé de trois parties :

Syndrome/Malformation	Etiologie 1	Etiologie 2	Action
Non renseigné	Non renseigné	Non renseigné	
Code à rechercher : <input type="text"/>	Code à rechercher : <input type="text"/>	Code à rechercher : <input type="text"/>	

Partie 1 : « Caractéristiques de la tentative »

Cette partie de la fiche est très importante puisqu'elle permet de faire le lien avec la tentative dans le registre national des FIV.

- *Tous les items sont à renseigner obligatoirement. Les laboratoires d'insémination n'ont pas à renseigner le numéro de dossier clinique.*
- *Date de transfert ou d'insémination : pour indiquer la date du jour à l'aide d'un calendrier, vous pouvez cliquer sur *

Partie 2 : « Fœtus / Enfant »

- *Tous les items sont à renseigner obligatoirement,*
- *Grossesse multiple : si « oui », et que des syndromes ou malformations sont apparus sur plusieurs fœtus/enfants, il faudra renseigner une fiche par fœtus/enfant en cliquant sur **Ajouter un jumeau**. Ce bouton n'apparaît qu'une fois la fiche validée.*

Partie 3 : « Malformation »

- *Pour coder un premier syndrome / malformation cliquez sur le bouton .*

- *L'écran suivant d'aide au codage apparaît :*



- *Vous pouvez à tout moment ajouter un syndrome / malformation en cliquant sur le bouton **Ajouter une malformation** et le supprimer en cliquant sur *
- *une malformation au minimum doit être saisie pour pouvoir valider la fiche*

B. Coder un syndrome ou une malformation

- **recherche par libellé** : à utiliser si vous connaissez tout ou partie du nom de la malformation.
- **recherche par code** : à utiliser si vous connaissez le code de la malformation dans la nomenclature CIM-10.
- **recherche sur toute la nomenclature CIM-10** : à utiliser pour rechercher une malformation dont on ne connaît ni le code ni le libellé précis. Par défaut l’affichage des codes CIM10 se présente sous forme d’arborescence regroupant les malformations par grands systèmes.

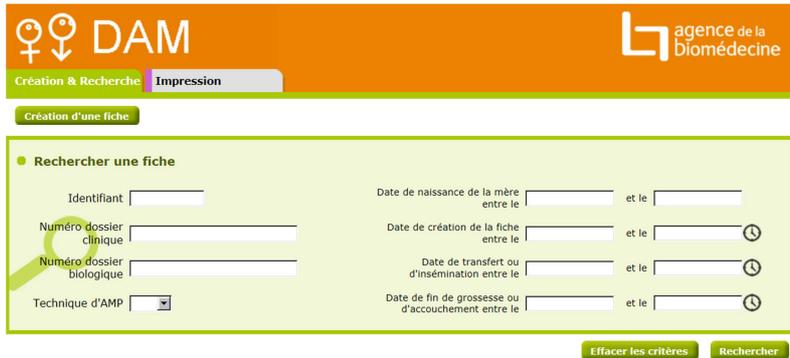
C. Coder une étiologie

Pour coder la ou les étiologie(s) associée(s) à la malformation cliquez sur . Vous retrouvez le même outil d’aide au codage que pour les malformations. Pour des raisons d’homogénéité, c’est la nomenclature des étiologies proposées par le registre européen des malformations Eurocat qui a été retenue. (An aetiological classification of birth defects for epidemiological research. D Wellesley, P Boyd, H Dolk, S Pattenden. J Med Genet 2005;42:54–57).

→ A noter que la saisie de l’étiologie est facultative.

IV. Rechercher une fiche malformation

1. Aller sur l'onglet « Création & Recherche »
2. Saisir un ou plusieurs critères de l'écran ci-contre pour retrouver une fiche déjà saisie.
3. Cliquer sur 



4. La liste des fiches créées apparaît en bas de votre écran. Vous avez la possibilité de modifier l'ordre d'apparition en cliquant dans la tête de colonne.

9 éléments

Identifiant	Numéro dossier clinique	Numéro dossier biologique	Technique AMP	Date de fin de grossesse ou d'accouchement	Sexe
100046	test1.3jumea	ggggg	IIC	02/06/2014	Féminin
100043		111	IIC	10/06/2014	Féminin
100000	1	1	FIV	01/08/2013	Inconnu
100007	test	test	TEC	12/08/2013	Inconnu
100037	13nov3	13nov3	ICSI	13/11/2013	Inconnu
100036	13nov2	13nov2	IIC	13/11/2013	Inconnu
100035	13nov	13nov	FIV	13/11/2013	Masculin
100045	test1.3	ddddf	IIU	02/03/2014	Masculin
100044	test1.3	ddddf	IIU	04/05/2014	Masculin

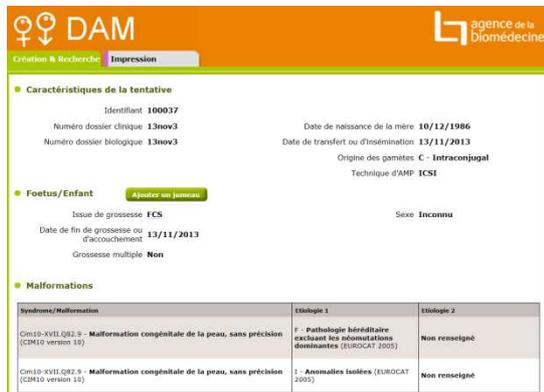
Exporter: [CSV](#)

Trucs, astuces, conseils

Vous pouvez à tout moment exporter en csv la totalité de votre liste avec les informations suivantes :

- *identifiant,*
- *numéro dossier clinique,*
- *numéro dossier biologique,*
- *date de fin de grossesse ou d'accouchement,*
- *sexe,*
- *technique AMP,*
- *code centre,*
- *date de création.*

5. Pour consulter une fiche créée, cliquer sur l'identifiant. L'écran ci-contre apparaît avec des informations sur :
 - La tentative,
 - Le fœtus / enfant,
 - Les malformations.



Syndrome/Malformation	Etiologie 1	Etiologie 2
Gm10-XVII-Q02.9 - Malformation congénitale de la peau, sans précision (CDM10 version 10)	F - Pathologie héréditaire excluant les anomalies dominantes (EUROCAT 2005)	Non renseigné
Gm10-XVII-Q02.9 - Malformation congénitale de la peau, sans précision (CDM10 version 10)	I - Anomalies isolées (EUROCAT 2005)	Non renseigné

V. Modifier une fiche malformation

Pour modifier une fiche syndrome / malformation cliquer sur **Modifier**

DAM agence de la biomédecine

Création & Recherche **Impression**

- Caractéristiques de la tentative**

Identifiant **100051**
 Numéro dossier clinique **cli45216**
 Numéro dossier biologique **bio52641**
 Date de naissance de la mère **01/01/1970**
 Date de transfert ou d'insémination **01/03/2013**
 Origine des gamètes **C - Intraconjugal**
 Technique d'AMP **ICSI**
- Foetus/Enfant** **Ajouter un jumeau**

Issue de grossesse **NV** Sexe **Féminin**
 Date de fin de grossesse ou d'accouchement **01/11/2013**
 Grossesse multiple **Non**
- Malformations**

Syndrome/Malformation	Etiologie 1	Etiologie 2
Cim10.XVII.Q54.1 Hypospadias pénien (CIM10 version 10)	Non renseigné	Non renseigné

Créé le 17/06/2014 par redouane.mahmoudi et modifié le 17/06/2014 par redouane.mahmoudi.

Modifier **Supprimer**

VI. Extraire ou imprimer les fiches malformation

1. Aller sur l'onglet « Impression »
2. Saisir un intervalle de dates de transfert ou d'insémination.

DAM agence de la biomédecine

Création & Recherche **Impression**

Extraction des données

Date de transfert ou d'insémination entre le [] et le []

Export CSV **Impression PDF**

3. **Pour exporter en .csv :** cliquer sur **Export CSV**. Un tableau est généré, présentant l'ensemble des informations d'une fiche sur une ligne (une ligne par malformation).

Identifiant	Numéro dos	Numéro dos	Code du cen	Date de nais	Date de tran	Date de fin c	Grossesse m	Sexe	Issue de gro:	Technique A	Origine
100068	xxxxC9	xxxxB9	xxxx_xxxx	20/10/1978	07/07/2012	03/04/2013	Oui	Masculin	NV	ICSI	C - Intr
100067	xxxxC8	xxxxB8	xxxx_xxxx	06/06/1978	07/08/2013	30/04/2014	Non	Masculin	NV	FIV	C - Intr
100066	xxxxC7	xxxxB7	xxxx_xxxx	09/07/1975	08/12/2012	01/07/2013	Non	Féminin	NV	FIV	C - Intr
100065	xxxxC6	xxxxB6	xxxx_xxxx	08/08/1988	07/10/2012	02/07/2013	Non	Masculin	NV	ICSI	C - Intr
100064	xxxxC5	xxxxB5	xxxx_xxxx	06/08/1985	01/03/2013	02/12/2013	Non	Masculin	NV	ICSI	C - Intr
100064	xxxxC5	xxxxB5	xxxx_xxxx	06/08/1985	01/03/2013	02/12/2013	Non	Masculin	NV	ICSI	C - Intr
100063	xxxxC4	xxxxB4	xxxx_xxxx	01/01/1986	01/01/2013	16/04/2013	Non	Masculin	IMG	ICSI	C - Intr
100062	xxxxC3	xxxxB3	xxxx_xxxx	03/09/1988	01/01/2013	15/04/2013	Non	Féminin	IMG	ICSI	C - Intr
100061	xxxxC2	xxxxB2	xxxx_xxxx	05/05/1990	06/01/2013	30/05/2013	Non	Inconnu	IMG	FIV	C - Intr
100060	xxxxC1	xxxxB1	xxxx_xxxx	06/06/1980	06/06/2012	20/09/2012	Non	Masculin	IMG	FIV	C - Intr

4. **Pour imprimer en PDF :** cliquer sur **Impression PDF**. Un tableau synthétique est généré, reprenant les informations nécessaires pour le rapport annuel d'activité (sélectionner 1er janvier au 31 décembre de l'année concernée).

n : 9201_9201 Date de transfert ou d'insémination du 01/01/2010 au 27/08/2014

Adresse : []

FOETUS ou ENFANTS					AMP
Issue de grossesse	Date de terme	Sexe (M/F)	Malformation(s) ou Syndrome étiopé ou observé	Etiologie ou Anomalie génétique identifiée (chromosomique ou génétique)	AMP
NV	03/04/2013	M	Cim10.XVII.Q90.9 - Syndrome de Down, sans précision		ICSI
NV	30/04/2014	M	Cim10.XVII.Q87.0 - Syndromes congénitaux malformatifs assignant principalement l'aspect de la face		FIV
NV	01/07/2013	F	Cim10.XVII.Q99.2 - Oeille(s) sumétraire(s)		FIV
NV	02/07/2013	M	Cim10.XVII.Q24.9 - Malformation cardiaque congénitale, sans précision		ICSI
NV	02/12/2013	M	Cim10.XVII.Q62.7 - Reflux vésico-urétéro-rénal congénital		ICSI
NV	02/12/2013	M	Cim10.XVII.Q64.7 - Autres malformations congénitales de la vessie et de l'urètre		ICSI
IMG	16/04/2013	M	Cim10.XVII.Q90.9 - Syndrome de Down, sans précision		ICSI
IMG	15/04/2013	F	Cim10.XVII.Q90.9 - Syndrome de Down, sans précision		ICSI
IMG	30/05/2013	I	Cim10.XVII.Q90.1 - Trisomie 21, mosaïque chromosomique (non-disjonction mitotique)		FIV
IMG	20/09/2012	M	Cim10.XVII.Q90.9 - Syndrome de Down, sans précision		FIV